

Species

SP101 <i>Enterobacter</i> <i>mori</i>	SP44 Eubacteriales_[G-3] bacterium_MOT-163	SPN223 <i>Blautia</i> <i>producta</i> _nov_91.152%
SP103 <i>Granulicatella</i> <i>adiacens</i>	SP47 <i>Enterococcus</i> <i>haemoperoxidus</i>	SPN235 <i>Blautia</i> <i>faecicola</i> _nov_93.887%
SP107 <i>Leifsonia</i> <i>aquatica</i>	SP48 <i>Bifidobacterium</i> <i>breve</i>	SPN247 <i>Saccharibacteria</i> _(TM7)_[G-3] bacterium_HMT_351_nov_96.074%
SP11 <i>Mammaliococcus</i> <i>sciuri</i>	SP5 <i>Acinetobacter</i> <i>bereziniae</i>	SPN259 <i>Ruminococcus</i> <i>albus</i> _nov_94.425%
SP115 <i>Atopostipes</i> <i>sp._MOT-201</i>	SP58 <i>Phocaeicola</i> <i>vulgatus</i>	SPN26 <i>Blautia</i> <i>schinkii</i> _nov_95.124%
SP116 <i>Klebsiella</i> <i>grimontii</i>	SP6 <i>Romboutsia</i> <i>ilealis</i>	SPN260 <i>Adlercreutzia</i> <i>equolificiens</i> _nov_92.569%
SP122 <i>Escherichia</i> <i>marmotae</i>	SP60 <i>Gordonia</i> <i>polyisoprenivorans</i>	SPN272 <i>Duncanella</i> <i>freteri</i> _nov_92.077%
SP123 <i>Cutibacterium</i> <i>acnes</i>	SP63 <i>Streptococcus</i> <i>parasanguinis</i>	SPN277 <i>Lachnospiraceae</i> _[G-3] bacterium_MOT-168_nov_97.598%
SP127 <i>Enterobacter</i> <i>ludwigii</i>	SP64 <i>Streptococcus</i> <i>mitis</i>	SPN284 <i>Lachnospiraceae</i> _[G-3] bacterium_MOT-168_nov_97.598%
SP131 <i>Erysipelatoclostridium</i> _[Clostridium] <i>innocuum</i>	SP7 <i>Rothia</i> <i>nasimurium</i>	SPN296 <i>Arthrosira</i> <i>platensis</i> _nov_90.832%
SP136 <i>Erysipelatoclostridium</i> _[Clostridium] <i>saccharogumia</i>	SP70 <i>Streptococcus</i> <i>sp._MOT-045</i>	SPN308 <i>Sporobacter</i> <i>termitidis</i> _nov_94.306%
SP146 <i>Neisseria</i> <i>elongata</i>	SP72 <i>Streptococcus</i> <i>mutans</i>	SPN320 <i>Muribaculaceae</i> _[G-2] bacterium_MOT-104_nov_89.925%
SP15 <i>Staphylococcus</i> <i>ureilyticus</i>	SP75 <i>Bifidobacterium</i> <i>pseudolongum</i>	SPN33 <i>Muribaculaceae</i> _[G-1] bacterium_MOT-129_nov_89.815%
SP152 <i>Mammaliococcus</i> <i>lentus</i>	SP76 <i>Blautia</i> <i>glucerasea</i>	SPN334 <i>Qipengyuania</i> <i>sediminis</i> _nov_97.809%
SP155 <i>Streptococcus</i> <i>agalactiae</i>	SP80 <i>Bacteroides</i> <i>uniformis</i>	SPN346 <i>Faecalimonas</i> <i>umbilicata</i> _nov_93.562%
SP16 <i>Lactobacillus</i> <i>intestinalis</i>	SP81 <i>Escherichia</i> <i>coli</i>	SPN358 <i>Muribaculaceae</i> _[G-1] bacterium_MOT-129_nov_91.040%
SP165 <i>Enterobacter</i> <i>hormaechei</i>	SP82 <i>Limosilactobacillus</i> <i>reuteri</i>	SPN369 <i>Anaerocolumna</i> <i>aminovalerica</i> _nov_93.182%
SP168 <i>Acinetobacter</i> <i>courvalinii</i>	SP83 <i>Faecalibaculum</i> <i>rodentium</i>	SPN38 <i>Sporosarcina</i> <i>sp._MOT-205_nov_97.019%</i>
SP170 <i>Extibacter</i> <i>muris</i>	SP84 <i>Coprobacillus</i> <i>cateniformis</i>	SPN381 <i>Blautia</i> <i>schinkii</i> _nov_95.261%
SP174 <i>Hungatella</i> <i>hathewayi</i>	SP86 <i>Enterococcus</i> <i>avium</i>	SPN382 <i>Eubacteriales</i> _[G-4] bacterium_MOT-165_nov_93.797%
SP178 <i>Brachybacterium</i> <i>conglomeratum</i>	SP90 <i>Proteus</i> <i>mirabilis</i>	SPN398 <i>Thermacetogenium</i> <i>phaeum</i> _nov_88.464%
SP18 <i>Corynebacterium</i> <i>stationis</i>	SP92 <i>Citrobacter</i> <i>koseri</i>	SPN482 <i>Muribaculaceae</i> _[G-1] bacterium_MOT-129_nov_91.102%
SP182 <i>Monoglobus</i> <i>pectinilyticus</i>	SP93 <i>Providencia</i> <i>retgteri</i>	SPN494 <i>Muribaculaceae</i> _[G-2] bacterium_MOT-104_nov_91.473%
SP186 <i>Akkermansia</i> <i>muciniphila</i>	SP95 <i>Yaniella</i> <i>halotolerans</i>	SPN50 <i>Mobilitalea</i> <i>sibirica</i> _nov_95.271%
SP19 <i>Clostridium</i> <i>disporicum</i>	SP97 <i>Rodentibacter</i> <i>ratti</i>	SPN506 <i>Sporosarcina</i> <i>sp._MOT-204_nov_95.599%</i>
SP194 <i>Enterococcus</i> <i>faecalis</i>	SP98 <i>Staphylococcus</i> <i>equorum</i>	SPN518 <i>Acetivibrio</i> <i>cellulolyticus</i> _nov_92.505%
SP195 <i>Streptococcus</i> <i>acidominimus</i>	SP99 <i>Veillonella</i> <i>parvula</i>	SPN519 <i>Lederbergia</i> <i>lenta</i> _nov_95.190%
SP198 <i>Lactobacillus</i> <i>johnsonii</i>	SPN1 <i>Vallitalea</i> <i>pronyensis</i> _nov_88.227%	SPN541 <i>Eubacteriales</i> _[G-4] bacterium_MOT-165_nov_96.886%
SP2 <i>Enterococcus</i> <i>gallinarum</i>	SPN111 <i>Streptococcus</i> <i>sp._MOT-045_nov_97.609%</i>	SPN553 <i>Ileibacterium</i> <i>valens</i> _nov_94.552%
SP20 <i>Staphylococcus</i> <i>epidermidis</i>	SPN112 <i>Rubrivivax</i> <i>gelatinosus</i> _nov_96.350%	SPN565 <i>Anaerostipes</i> <i>caccae</i> _nov_97.708%
SP200 <i>Corynebacterium</i> <i>lowii</i>	SPN124 <i>Frisingicoccus</i> <i>caecimuris</i> _nov_97.456%	SPN62 <i>Eubacterium</i> <i>coprostanoligenes</i> _nov_94.236%
SP209 <i>Streptococcus</i> <i>cristatus</i>	SPN13 <i>Globicatella</i> <i>sanguinis</i> _nov_93.157%	SPN74 <i>Neglectibacter</i> <i>timonensis</i> _nov_96.238%
SP21 <i>Haemophilus</i> <i>parainfluenzae</i>	SPN136 <i>Turicibacter</i> <i>sanguinis</i> _nov_97.503%	SPN86 <i>Eubacteriales</i> _[G-4] bacterium_MOT-165_nov_92.483%
SP22 <i>Aerococcus</i> <i>urinaeequi</i>	SPN137 <i>Lysinibacter</i> <i>cavernae</i> _nov_97.439%	SPN98 <i>Eubacterium</i> <i>coprostanoligenes</i> _nov_94.452%
SP23 <i>Jeotgalicoccus</i> <i>halotolerans</i>	SPN14 <i>Ruminococcus</i> <i>champanellensis</i> _nov_93.519%	SPP1 <i>Staphylococcus</i> <i>capitis_epidermidis</i>
SP24 <i>Staphylococcus</i> <i>haemolyticus</i>	SPN149 <i>Blautia</i> <i>faecicola</i> _nov_94.993%	SPP11 <i>Escherichia</i> _ <i>Shigella</i> <i>fergusonii_flexneri</i>
SP28 <i>Ligilactobacillus</i> <i>murinus</i>	SPN155 <i>Murimonas</i> <i>intestinalis</i> _nov_94.767%	SPP2 <i>Staphylococcus</i> <i>argenteus_aureus_roterodami</i>
SP3 <i>Enterococcus</i> <i>faecium</i>	SPN161 <i>Prevotella</i> <i>loeschei</i> _nov_92.529%	SPP6 <i>Shigella</i> <i>flexneri_sonnei</i>
SP33 <i>Corynebacterium</i> <i>amycolatum</i>	SPN173 <i>Eubacteriales</i> _[G-4] bacterium_MOT-165_nov_92.892%	SPP7 <i>Staphylococcus</i> <i>saprophyticus_xylosum</i>
SP33 <i>Corynebacterium</i> <i>amycolatum</i>	SPN173 <i>Eubacteriales</i> _[G-4] bacterium_MOT-165_nov_92.892%	SPN173 <i>Eubacteriales</i> _[G-4] bacterium_MOT-165_nov_92.892%
SP33 <i>Corynebacterium</i> <i>amycolatum</i>	SPN173 <i>Eubacteriales</i> _[G-4] bacterium_MOT-165_nov_92.892%	SPN173 <i>Eubacteriales</i> _[G-4] bacterium_MOT-165_nov_92.892%