

# Species

SP1 <i>Escherichia coli</i>	SPN10 <i>Streptococcus acidominimus</i> _nov_93.969%	SPN27 <i>Mycobacterium shottsii</i> _nov_88.269%
SP10 <i>Enterorhabdus mucosicola</i>	SPN11 <i>Streptococcus acidominimus</i> _nov_94.595%	SPN28 <i>Streptococcus oralis</i> _nov_89.623%
SP13 <i>Bifidobacterium pseudolongum</i>	SPN12 <i>Lachnoclostridium asparagiforme</i> _nov_95.918%	SPN29 <i>Enterococcus faecalis</i> _nov_96.370%
SP14 <i>Bacteroides sartorii</i>	SPN13 <i>Lachnoclostridium aerotolerans</i> _nov_97.045%	SPN3 <i>Streptococcus thoraltensis</i> _nov_94.027%
SP15 <i>Enterococcus</i> sp._str._F95	SPN14 <i>Bacteroidetes</i> [G-7] <i>bacterium</i> HMT_911_nov_85.049%	SPN30 <i>Granulicatella paradiacens</i> _nov_85.448%
SP16 <i>Bacteroides acidifaciens</i>	SPN15 <i>Firmicutes</i> [G] sp._Oral_Taxon_C68_nov_85.542%	SPN31 <i>Streptococcus sanguinis</i> _nov_92.509%
SP17 <i>Staphylococcus sciuri</i>	SPN16 <i>Streptococcus alactolyticus</i> _nov_89.858%	SPN32 <i>Sutterella</i> sp._str._cont1.66_nov_96.429%
SP18 <i>Turicimonas muris</i>	SPN17 <i>Streptococcus troglodytidis</i> _nov_86.606%	SPN4 <i>Parabacteroides distasonis</i> _nov_97.706%
SP19 <i>Sutterella</i> sp._str._cont1.66	SPN18 <i>Lactobacillus murinus</i> _nov_97.600%	SPN5 <i>Barrientosiimonas humi</i> _nov_81.835%
SP2 <i>Streptococcus danieliae</i>	SPN19 <i>Anaerotignum lactatifermentans</i> _nov_94.808%	SPN6 <i>Streptococcus danieliae</i> _nov_95.473%
SP22 <i>Parasutterella excrementihominis</i>	SPN2 <i>Escherichia coli</i> _nov_90.189%	SPN7 <i>Escherichia coli</i> _nov_94.206%
SP23 <i>Enterococcus casseliflavus</i>	SPN20 <i>Streptococcus sinensis</i> _nov_92.322%	SPN8 <i>Lactobacillus faecis</i> _nov_80.909%
SP3 <i>Streptococcus thoraltensis</i>	SPN21 <i>Streptococcus thoraltensis</i> _nov_95.728%	SPN9 <i>Bifidobacterium pseudolongum</i> _nov_95.769%
SP4 <i>Corynebacterium mastitidis</i>	SPN22 <i>Blautia coccoides</i> _nov_88.825%	SPP1 <i>Escherichia, Shigella coli, flexneri, sonnei</i>
SP5 <i>Lactobacillus murinus</i>	SPN23 <i>Blautia luti</i> _nov_97.964%	SPP2 <i>Clostridium disporicum, saudiense</i>
SP8 <i>Faecalibaculum rodentium</i>	SPN24 <i>Streptococcus danieliae</i> _nov_96.939%	SPP3 <i>Staphylococcus stepanovicii, vitulinus</i>
SP9 <i>Enterococcus faecalis</i>	SPN25 <i>Atopobium parvulum</i> _nov_91.945%	SPPN1 <i>Lachnoclostridium saccharolyticum</i>
SPN1 <i>Escherichia coli</i> _nov_90.377%	SPN26 <i>Parabacteroides distasonis</i> _nov_82.868%	SPPN2 <i>multigenus multispecies_sppn2_3_nov_96.008%</i>